



Instrucciones de uso (español)

1 Uso previsto

La batería de análisis *ampli*Cube STD Panel 2.1 es una prueba *in vitro*, cualitativa, para la identificación específica de ADN de *Trichomonas vaginalis, Mycoplasma hominis, Ureaplasma urealyticum* y *Ureaplasma parvum* (y su diferenciación) en muestras de orina (preferiblemente orina de la primera micción) o de frotis urogenitales de origen humano.

Esta prueba está ideada para su uso en termocicladores de PCR en tiempo real (consulte más detalles en el capítulo 8). No se puede usar un LightCycler® 480 II (Roche) para esta prueba.

2 Campo de aplicación

Trichomonas vaginalis es un protozoo anaerobio, parasitario, que pertenece a la familia de los tricomonas y se transmite principalmente por contacto sexual. En la mayoría de los casos, la enfermedad en los hombres no presenta síntomas, pero puede causar una uretritis. Los síntomas en la mujer se manifiestan con inflamaciones de las mucosas en los órganos sexuales (colpitis por tricomona). En este caso también puede presentarse una infestación de la uretra que causa una inflamación.

Las bacterias *Mycoplasma hominis, Ureaplasma urealyticum* y *Ureaplasma parvum* pertenecen a la familia de las micoplasmatáceas. La infección por micoplasmatáceas es una enfermedad altamente contagiosa que se presenta frecuentemente por contacto sexual. Los agentes patógenos se anidan a menudo en la zona genital sin dañar el huésped; sin embargo, pueden causar ocasionalmente inflamaciones locales. Los síntomas son diferentes, dependiendo del lugar de la inflamación (uréter, vejiga, próstata, riñones, pelvis renal, vagina, trompas de Falopio, ovarios). Los síntomas más frecuentes son poliuria, ardor al orinar, secreción amarillenta (uretritis) y dolores en la zona renal. En el varón, *U. urealyticum* es el agente patógeno de la uretritis y la prostatitis no gonorreicas.

3 Principio de la prueba

La prueba es un sistema de PCR 'Real Time' (en tiempo real). Utiliza primers (cebadores) específicos y sondas marcadas para la amplificación y detección del ADN de *Trichomonas vaginalis*, *Mycoplasma hominis*, *Ureaplasma urealyticum y Ureaplasma parvum*. Para asegurarse de que los ácidos nucleicos aislados de la muestra del paciente no contengan sustancias inhibidoras de la PCR, se somete la muestra a un control interno (IC) durante el aislamiento del ADN. Este IC se amplifica y detecta en la misma mezcla reactiva de PCR. De esta manera es posible excluir resultados negativos incorrectos de la prueba debidos a una inhibición de la reacción de PCR. El IC se usa al mismo tiempo para la comprobación de la extracción del ácido nucleico de la muestra del paciente.

Las sondas para la detección específica del agente patógeno del ADN están marcadas con el colorante reportero FAM (*Trichomonas vaginalis*), HEX (*Mycoplasma hominis*), ATTO Rho12 (*Ureaplasma urealyticum/parvum*) y Quasar 705 (*Ureaplasma parvum*), y las sondas para la detección del control interno con ATTO 647N. Esto permite la detección simultánea de todas las secuencias destinatarias en una mezcla de reacción.

El valor de Ct (*cycle threshold*, umbral del ciclo) describe la parte de la curva en la que la fluorescencia aumenta por primera vez exponencialmente, sobrepasando el valor de fondo.

4 Reactivos

4.1 Contenido del envase

Un envase contiene reactivos suficientes para 50 determinaciones. Cada kit de reactivos contiene:

| P&P MIX | 150 µl de mezcla de Primer & Probe (cebador y sonda) para <i>Trichomonas vaginalis, Mycoplasma hominis, Ureaplasma urealyticum, Ureaplasma parvum</i> y control interno (tapón verde) |
|-------------|---|
| ENZYME | 600 µl de mezcla de enzimas (tapón blanco) Contiene ADN polimerasa. (El componente está coloreado de azul.) |
| CONTROL INT | 250 µl de control interno (tapón incoloro) |

| CONTROL + | 170 μl de control positivo (tapón rojo) |
|-----------|---|
| CONTROL - | 2x 1800 µl de control negativo (tapón azul) |
| INSTRU | 1 Instrucciones de uso |

4.2 Otros reactivos, materiales y aparatos necesarios

- Según el termociclador de PCR en tiempo real utilizado, MIKRO-GEN proporciona reactivos para la calibración de colorantes:
 MIKROGEN ampliCube Color Compensation (cobas z 480 Analyzer (Roche), 5-Plex, ref. 50503), juego de calibración de colorantes para QuantStudio 5 (Applied Biosystems, ref. 50504) o el juego de calibración de colorantes para CFX96 (Bio-Rad, ref. 50505).
 MIKROGEN proporciona plantillas de análisis mic para su procesamiento en el termociclador de PCR Mic (bms).
- Extracción de ácidos nucleicos: Se recomiendan los siguientes sistemas de extracción de ácidos nucleicos: MagNA Pure[®] System, Total Nucleic Acid Isolation Kit (Roche) o alphaClean Mag RNA/DNA Kit (MIKROGEN) con procesamiento en el extractor M32, M48 o M96(Biocomma)
- Termociclador en tiempo real: cobas z 480 Analyzer (Roche), CFX96™ (Bio-Rad), QuantStudio 5 (Applied Biosystems), Mic (bms), Rotor-Gene Q (Qiagen)
- Placas y láminas de PCR de 96 pocillos o tubos de reacción (PCR-clean): siga las recomendaciones del fabricante del termociclador de PCR en tiempo real.
- Micropipetas con puntas desechables y filtros de 10 μl, 20 μl, 100 μl y 1000 μl
- Mezclador vorticial de alta velocidad (recomendado: 3200 rev/min).
- Minicentrifugadora
- En caso necesario, centrifugadora de placas
- Guantes protectores desechables sin talco
- Bloque de refrigeración

5 Vida útil y manipulación

- Es preciso evitar descongelar y volver a congelar repetidas veces los componentes (no más de diez veces). Recomendamos llevar a cabo un alicuotado de los componentes de la prueba después de la primera descongelación.
- Durante los pasos de trabajo, los reactivos deben mantenerse siempre refrigerados a una temperatura adecuada (+2 °C a +8 °C).
- Proteger los componentes del kit contra la luz solar directa, durante toda la ejecución de la prueba.
- Antes de empezar la prueba, todos los reactivos se deben descongelar completamente, mezclar (brevemente con la agitadora vorticial) y centrifugar.
- Los envases llevan una fecha de caducidad, a partir de la cual ya no se concederá ninguna garantía de calidad.
- La prueba la debe llevar a cabo exclusivamente personal especializado debidamente formado y autorizado.
- Si el usuario ha llevado a cabo modificaciones sustanciales del producto o de las instrucciones de uso, es posible que la aplicación ya no cumpla el propósito especificado por MIKROGEN.
- Una contaminación cruzada puede producir resultados incorrectos de la prueba. Añada cuidadosamente las muestras de los pacientes y los controles. Evite arrastrar las mezclas de reactivos a otros pocillos.

6 Advertencias y medidas de seguridad

- Utilizar el producto exclusivamente para el diagnóstico in vitro.
- Todas las muestras de pacientes deben manipularse como si fueran potencialmente infecciosas.
- Durante todo el análisis es necesario llevar guantes desechables adecuados.
- Todos los reactivos y materiales que entran en contacto con muestras potencialmente infecciosas se deben tratar con desinfectantes adecuados o eliminar de acuerdo con las normas de higiene. Se deben observar las concentraciones y los tiempos de incubación especificados por los fabricantes.

GAACSD2102ES 2023-04 1/5

MIKROGEN

- Nunca reemplazar ni mezclar los reactivos con reactivos de otros lotes de kits, con otros kits de PCR de MIKROGEN ni con reactivos de otros fabricantes.
- Lea detenidamente y observe las instrucciones de uso completas, antes de iniciar la prueba. Las desviaciones del protocolo de análisis indicado en las instrucciones de uso puede producir resultados incorrectos.

7 Toma de muestras y preparación de los reactivos 7.1 Material y preparación de las muestras

I material inicial para el *ampli*Cube STD Panel 2.1 es ADN extraído de muestras de orina (preferiblemente la orina de la primera micción) o de frotis urogenitales de origen humano. La calidad de la preparación del ácido nucleico influye en el resultado de la prueba. Es necesario garantizar que el método de extracción elegido sea compatible con la tecnología de RCP en tiempo real.

7.2 Extracción de ácidos nucleicos

Extraiga ácidos nucleicos de la muestra del paciente y del control negativo (NC). Para la extracción recomendamos un volumen inicial de 200 µl, y para la elución, un volumen de 50 µl o 100 µl, según el sistema de extracción. Observe las instrucciones del fabricante del kit de extracción.

- Descongele el control interno (IC) (tapón incoloro) y el control negativo (NC) (tapón azul).
 - Asegúrese de que el IC y el NC estén completamente descongelados. Antes del uso, mezcle el IC y el NC con la agitadora vorticial y centrifúguelos brevemente.
- Durante la extracción, agregue a cada muestra del paciente y al NC 5 μl de IC. El IC debe agregarse a la mezcla de tampón de lisis y muestra y no directamente al material de muestra.
- Extraiga las muestras del paciente y el NC. (Nota: No se puede introducir el NC en la RCP sin llevar a cabo la extracción.)
- 4. El control positivo no se extrae.

Se utilizaron los siguientes sistemas de extracción de ácidos nucleicos para evaluar el rendimiento:

| Sistema de extracción | Volumen de muestra | Volumen de elución |
|---|-----------------------|-----------------------|
| MagNA Pure® 24 (Roche) Total NA Isolation Kit | 200 μΙ | 50 µl |
| M96 Nucleic Acid Extraction Systems (biocomma) alphaClean Mag RNA/DNA Kit (MIKROGEN) | 200 µl | 100 µl |
| M32 Nucleic Acid Extraction Systems (biocomma) alphaClean Mag RNA/DNA Kit (MIKROGEN) | 200 μΙ | 100 µl |

Si desea utilizar métodos de extracción distintos a los enumerados en 4.2 y para la evaluación del rendimiento, consulte previamente al fabricante para aclarar la compatibilidad.

7.3 Preparación de la mezcla maestra

- Descongele la mezcla de Primer & Probe (tapón verde) y la mezcla de enzimas (tapón blanco). Proteja los reactivos de la luz. Asegurarse que los reactivos estén completamente descongelados. Antes del uso, mezcle los reactivos con la agitadora vorticial y centrifúguelos brevemente.
- Prepare la mezcla maestra de acuerdo con el siguiente esquema de pipeteo:

| Componente | Mezcla maestra para 1 reacción |
|--------------------------|--------------------------------|
| Mezcla de Primer & Probe | 3 µl |
| Mezcla de enzimas | 12 µl |
| Volumen total | 15 µl |

- Mezcle la mezcla maestra con la agitadora vorticial y centrifúguela brevemente.
- 4. Prepare 15 μl de mezcla maestra para cada reacción de RCP.

7.4 Preparación de la reacción de RCP

Descongele el control positivo (PC) (tapón rojo).
 Asegurarse que los reactivos estén completamente descongelados. Antes del uso, mezcle los reactivos con la agitadora vorticial y luego centrifúguelos durante un breve tiempo.

| Componente | 1 reacción |
|---------------------------------------|------------|
| Mezcla maestra de 7.3 | 15 µl |
| Eluido de muestra o eluido de NC o PC | 10 ul |

- 2. Pipetee 10 µl de eluido de muestra en 15 µl de mezcla maestra.
- 3. Pipetee 10 μl de control positivo (no preparado) en 15 μl de mezcla maestra.
- Pipetee 10 μl de eluido del control negativo en 15 μl de mezcla maestra.

Cada ciclo debe incluir un control positivo y uno negativo.

Selle la placa de RCP con una lámina óptica adhesiva u obture los recipientes de reacción con los tapones previstos.



Las placas de RCP o los tubos de reacción se deben agitar en vórtice a velocidad máxima durante al menos 5 segundos y luego se deben centrifugar brevemente.



Los tubos de reacción de PCR para el <u>termociclador de</u>

<u>PCR Mic</u> deben agitarse a máxima velocidad durante al menos 10 segundos.

8 Programación del termociclador en tiempo real

Se evaluó el *ampli*Cube STD Panel 2.1 con el CFX96™ (Bio-Rad) y se validó con el QuantStudio 5 (Applied Biosystems), cobas z 480 Analyzer (Roche), Mic (bms) y Rotor-Gene Q (Qiagen).

8.1 Ajuste de los canales de detección CFX96™ (Bio-Rad)

| | Trichomo- nas vaginalis | Myco- plasma hominis | Ureaplas- ma urealy- ticum | Control interno (CI) | Ureaplas- ma parvum |
|-------------------------------|----------------------------------|----------------------------|----------------------------------|----------------------|---------------------------|
| Color | verde | amarillo | naranja | rojo | rojo oscuro |
| Coloran- te re- portero | FAM | HEX | ATTO Rho12 | ATTO 647N | Quasar 705 |
| Modo | All channels (Todos los canales) | | | | |

La adquisición y evaluación de datos en el CFX96™ se llevan a cabo mediante el método *calc / data acquisition mode: all channels.* Antes, se debe efectuar una calibración del CFX96™ (Bio-Rad) para ATTO Rho12 y ATTO 647N. Se puede obtener el conjunto de calibración de colorante requerido de MIKROGEN (Bio-Rad, ref. 50505).

QuantStudio 5 (Applied Biosystems)

| Quantotudio 5 (Applied Biosystems) | | | | | | |
|------------------------------------|-------------------------------|----------------------------|----------------------------------|----------------------------|---------------------------|--|
| | Trichomo- nas vaginalis | Myco- plasma hominis | Ureaplas- ma urealy- ticum | Control interno (CI) | Ureaplas- ma parvum | |
| Color | verde | amarillo | naranja | rojo | rojo oscuro | |
| Colorante reportero | FAM | HEX | ATTO Rho12 | ATTO 647N | Quasar 705 | |
| Excitación | X1 / 470 nm | X2 / 520 nm | X4 / 580 nm | X5 / 640 nm | X6 / 662 nm | |
| Emisión | M1 / 520 nm | M2 / 558 nm | M4 / 623 nm | M5 / 682 nm | M6 / 711 nm | |
| Extintor | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | |

En Settings (Ajustes), seleccione 1. Run mode «standard», 2. Reference dye «none», 3. Experiment type «custom». Antes, se debe efectuar una calibración del QS5 (QuantStudio 5) para ATTO 647N y Quasar 705. Se puede obtener el conjunto de calibración de colorantes requerido de MIKROGEN (Applied Biosystems, ref. 50504).

GAACSD2102ES 2023-04 2/5

cobas z 480 Analyzer (Roche)

| | 30540 1 100 / Hidiy201 (100110) | | | | | | |
|---------------------|---------------------------------|----------------------------|----------------------------------|----------------------------|---------------------------|--|--|
| | Trichomo- nas vaginalis | Myco- plasma hominis | Ureaplas- ma urealy- ticum | Control interno (CI) | Ureaplas- ma parvum | | |
| Color | verde | amarillo | naranja | rojo | rojo oscuro | | |
| Colorante reportero | FAM | HEX | ATTO Rho12 | ATTO 647N | Quasar 705 | | |
| Excitación | 465 nm | 540 nm | 540 nm | 610 nm | 680 nm | | |
| Emisión | 510 nm | 580 nm | 610 nm | 670 nm | 700 nm | | |
| Extintor | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | | |

Con el cobas z 480 Analyzer (Roche) es necesario utilizar previamente una compensación de color (5-Plex, ref. 50503) provista por MIKROGEN.

Mic (bms)

Cuando se usa un Mic (bms), solo se pueden usar cuatro colores debido a la limitación de cuatro canales.

| | Trichomo- | Myco- | Ureaplas- | Control | Ureaplas- |
|-------|-----------|----------|------------|---------|-------------------|
| | nas | plasma | ma urealy- | interno | ma |
| | vaginalis | hominis | ticum | (CI) | parvum |
| Color | verde | amarillo | naranja | rojo | Sin de- tectar |

MIKROGEN le proporciona plantillas de análisis Mic validadas para su procesamiento. Use únicamente plantillas Mic-Assay de MIKROGEN.

Rotor-Gene Q (Qiagen)

Cuando se utiliza un Rotor-Gene Q (Qiagen), solo se pueden usar cuatro colores.

| | Trichomo- nas vaginalis | Myco- plasma hominis | Ureaplas- ma urealy- ticum | Control interno (CI) | Ureaplas- ma parvum |
|---------------------|-------------------------------|----------------------------|----------------------------------|----------------------------|---------------------------|
| Color | verde | amarillo | naranja | rojo | rojo oscuro |
| Colorante reportero | FAM | HEX | ATTO Rho12 | ATTO 647N | Sin de- tectar |
| Excitación | 470 nm | 530 nm | 585 nm | 625 nm | Sin de- tectar |
| Emisión | 510 nm | 555 nm | 610 nm | 660 nm | Sin de- tectar |
| Extintor | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | [ninguno] | Sin de- tectar |

8.2 Programa de RCP

| | 1 | 1 |
|------------------------|-------|--------|
| Transcripción inversa | 50°C | 8 min. |
| Desnaturalización | 95 °C | 3 min. |
| Amplificación | 45 c | iclos |
| Desnaturalización | 95 °C | 10 s |
| Hibridación/elongación | 60°C | 45 s |

Para obtener información básica sobre la programación del termociclador de PCR en tiempo real respectivo, consulte las instrucciones del termociclador. Para informaciones específicas sobre la programación del termociclador de PCR en tiempo real utilizando el *ampli*Cube STD Panel 2.1, sírvase contactar al fabricante.

9 Resultados

9.1 Validación

- El control negativo debe encontrarse debajo del threshold (umbral). El control interno (IC) en el control negativo debe mostrar una curva positiva. Si el control negativo muestra una curva positiva (contaminación) o si el IC en el control negativo no es válido, no se podrá evaluar la prueba.
- El control positivo debe presentar una curva positiva.
 El valor de Ct del control positivo debe ser < 33. Un control positivo fuera de este intervalo indica un problema con la amplificación.
- El control interno (IC) de muestras negativas debe mostrar una curva positiva.

Es necesario comparar la señal del IC de una muestra del paciente con la señal del IC en el control negativo extraído. Una diferencia de >+3 en el valor de Ct de la IC de una muestra en comparación con la IC del control negativo o bien la ausencia de la señal del IC en la muestra puede indicar que hay una inhibición significativa de la reacción de PCR. En estos casos, no es válido un resultado negativo de la prueba.



9.2 Evaluación

La evaluación de los datos puede llevarse a cabo con el correspondiente software de termociclador RCP o con una solución de software admitida específicamente por MIKROGEN para la evaluación automatizada de la RCP. Solicite a MIKROGEN más información e instrucciones correspondientes.

| | | Tricho- monas vaginalis | Myco- plasma hominis | Urea- plasma urealyti- cum | Control interno (CI) | Urea- plasma parvum |
|------------|------------------|-------------------------------|----------------------------|-------------------------------------|----------------------------|---------------------------|
| Cold | or | verde | amarillo | naranja | rojo | rojo oscuro |
| | orante ortero | FAM | HEX | ATTO Rho12 | ATTO 647N | Quasar 705 |
| | CFX96™ | FAM | HEX | ROX | Cy5 | Quasar 705 |
| u con | QS5 | FAM | VIC | ROX | ATTO 647N | Quasar 705 |
| Evaluación | Mic | FAM | HEX | ROX | Cy5 | Sin de- tectar |
| Eva | RG Q | verde | amarillo | naranja | rojo | Sin de- tectar |

Las señales de amplificación de un valor superior al *threshold* (umbral) se consideran resultados positivos. Los campos vacíos de tabla se valoran como resultado negativo.

| Color | Trichomo- nas vaginalis | Myco- plasma hominis | Ureaplas- ma urealy- ticum | Control interno (CI) | Ureaplas- ma parvum |
|-------------|-------------------------------|----------------------------|----------------------------------|----------------------------|---------------------------|
| verde | positivo | | | | |
| amarillo | | positivo | | | |
| naranja | | | positivo | | |
| rojo | | | | positivo | |
| rojo oscuro | | | | | positivo |

^{*} Si los canales de detección del patógeno presentan señales positivas, no se requiere la señal del control interno para interpretar la prueba Una muestra del paciente con gran carga de patógenos puede producir una disminución de la señal o una ausencia de señal para el control interno.

10 Límites del método, restricciones

- Los resultados de la prueba deben contemplarse siempre en relación con el cuadro clínico. Las consecuencias terapéuticas del hallazgo deben contemplarse en relación con los datos clínicos.
- Un resultado negativo del resultado de la prueba de Trichomonas vaginalis, Mycoplasma hominis, Ureaplasma urealyticum o Ureaplasma parvum no significa que se pueda descartar una infección por el respectivo agente patógeno.

11 Características del rendimiento

11.1 Sensibilidad y especificidad diagnósticas

Se determinaron la sensibilidad y la especificidad mediante pruebas definidas como positivas y pruebas definidas como negativas.

Tabla 1. Muestras clínicas definidas como positivas

| labia 1. Muestras clinicas definidas como positivas. | | | | | |
|--|---|----------------------------------|--------------------------------------|----------------------------------|--|
| ampliCube STD Panel 2.1 | Trichomo- nas vaginalis (n=33) | Mycoplasma hominis (n = 5) | Ureaplasma urealyticum (n = 6) | Ureaplasma parvum (n = 19) | |
| Negativo | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| Positivo | 33 | 5 | 6 | 19 | |
| Sensibilidad [%] | 100 | 100 | 100 | 100 | |
| 95 % CI* [%] | 89,57 – 100 | 56,55 - 100 | 60,97 – 100 | 83,18 - 100 | |

^{*}CI = intervalo de confianza (ingl. confidence interval)

Tabla 2. Muestras clínicas definidas como negativas

| ampliCube STD Panel 2.1 | Trichomo- nas vaginalis (n=66) | Mycoplasma hominis (n = 66) | Ureaplasma urealyticum (n = 66) | Ureaplasma parvum (n = 66) |
|-------------------------------|---|-----------------------------------|---------------------------------------|----------------------------------|
| Negativo | 66 | 66 | 66 | 66 |
| Positivo | 0 | 0 | 0 | 0 |
| Especificidad [%] | 100 | 100 | 100 | 100 |
| 95 % CI* [%] | 94,50 – 100 | 94,50 – 100 | 94,50 – 100 | 94,50 – 100 |

^{*}CI = intervalo de confianza (ingl. confidence interval)

GAACSD2102ES_2023-04 3/5

11.2 Sensibilidad analítica

Se determinó el límite de comprobación (LoD) de *ampli*Cube STD Panel 2.1 mediante diluciones seriadas de ADN genómico purificado (Vircell Standard) de concentración conocida en el CFX96™ (Bio-Rad). Se determinó el límite de detección del 95 % mediante un análisis de regresión Probit con el software CombiStats™ versión 6.0 (Consejo Europeo).

Tabla 3: Límite de detección (LoD)

| | Trichomonas vaginalis | Mycoplasma hominis | Ureaplasma urealyticum | Ureaplasma parvum |
|---|--------------------------|-----------------------|---------------------------|----------------------|
| LoD Límite de detección del 95 % [copias/PCR] | 6,41 | 15,50 | 5,64 | 8,90 |
| 95 % CI* [copias/PCR] | 2,90 – 25,28 | 9,53 – 37,67 | 3,28 – 18,69 | 4,80 – 27,51 |

^{*}CI = intervalo de confianza (ingl. confidence interval)

11.3 Especificidad analítica

La búsqueda BLAST (www.ncbi.nlm.nih.gov/blast/) indica que los cebadores y las sondas seleccionados del *ampli*Cube STD Panel 2.1 detectan específicamente los patógenos seleccionados. Además, se determinó la específicidad mediante el estudio de los ADN/ARN genómicos de otras bacterias y virus patógenos para el ser humano.

Tabla 4. Bacterias y virus analizados para indicar la especificidad analítica de *ampli*Cube STD Panel 2.1

| ampliCube STD Panel 2.1. |
|--------------------------------|
| Bacterias |
| Aerococcus urinae |
| Campylobacter coli |
| Campylobacter jejuni |
| Candida albicans |
| Candida glabrata |
| Candida krusei |
| Candida parapsilosis |
| Chlamydia trachomatis |
| Citrobacter freundii |
| Clostridium difficile |
| Clostridium perfringens |
| E. coli enterohemorrágica stx+ |
| Enterococcus faecalis |
| Mycoplasma genitalium |
| Mycoplasma pneumoniae |
| Neisseria gonorrhoeae |
| Proteus mirabilis |
| Proteus vulgaris |
| Providencia stuarti |
| Treponema pallidum |

Yersinia enterocolitica

| Virus | | |
|--------------------------|--|--|
| Adenovirus | | |
| Citomegalovirus | | |
| Virus de herpes simple 1 | | |
| Virus de herpes simple 2 | | |
| Virus de las paperas | | |
| Virus varicela zóster | | |

Ninguna de estas muestras presentó una señal positiva. Los cebadores y sondas utilizados en el *ampli*Cube STD Panel 2.1 no mostraron reacción una cruzada alguna con los agentes patógenos indicados en la tabla 4. El control interno (IC) era válido en todos los análisis.

11.4 Equivalencia de diferentes materiales de muestra

Se determinó el coeficiente de variación (CV) del valor de Ct entre el agua y el extracto del material de muestra correspondiente después de añadir una concentración conocida de ADN genómico y purificado (Vircell Standard).

Tabla 5. Equivalencia de diferentes materiales de muestra

| | Trichomonas vaginalis | Mycoplasma hominis | Ureaplasma urealyticum | Ureaplasma parvum |
|--------------------------------------|-----------------------|-----------------------|---------------------------|----------------------|
| CV [%] (orina, H ₂ O) | 0,57 | 0,95 | 1,24 | 0,75 |
| CV [%] (frotis, H ₂ O) | 0,73 | 1,11 | 1,32 | 0,81 |

El coeficiente de variación (CV), basado en el valor Ct (cycle threshold, umbral del ciclo) entre el agua y los extractos de ADN (obtenidos

MIKROGEN

de los diferentes materiales de muestra), fue \leq 1,32% en todos los genes destinatarios.

12 Bibliografía

- M. Biernat-Sudolska et al. (2006): Assessment of various diagnostic methods of ureaplasma respiratory tract infections in newborns. Acta Biochimica Polonica, October 2006; Vol 53 No.3/2006 pp: 609-612
- M. Bradic et al (2017): Genetic indicators of drug resistance in the highly repetitive genomes of *Trichomonas vaginalis* and other trichomonads. Genome Biol Evol. 2017 Jun; 9(6): pp: 1658–1672
- R. L Dunne et al (2003): Drug resistance in the sexually transmitted protozoan Trichomonas Vaginalis. Cell Research (2003); 13(4): pp. 239-249
- T. Edwards et al (2014): Trichomonas vaginalis: Clinical relevance, pathogenicity and diagnosis. Crit Rev Microbiol, Early Online: 1–12
- 5. M. Hobbs et al (2013): Modern diagnosis of *Trichomonas vaginalis* infection.
- C. Huang et al (2015): Mycoplasma and ureaplasma infection and male infertility: a systematic review and meta-analysis, Andrology 3.5, pp: 809-816
- R. D. Kirkcaldy et al (2012): Trichomonas vaginalis Antimicrobial Drug Resistance in 6 US Cities, STD Surveillance Network, 2009–2010. Emerging Infectious Diseases Vol. 18, No. 6, June 2012, pp: 939-943
- B. Larsen et al (2010): Mycoplasma, Ureaplasma, and Adverse Pregnancy Outcomes: A Fresh Look. Infectious Diseases in Obstetrics and Gynecology, Volume 2010, Article ID 521921, pp. 1-7
- H. Moi et al (2015): Management of non-gonococcal urethritis, BMC infectious diseases 15.1, pp: 1-7
- T. E. Paulish-Miller et al (2014): Trichomonas vaginalis Metronidazole Resistance Is Associated with
- 11. Sex Transm Infect. 2013 September; 89(6): pp: 434-438
- Single Nucleotide Polymorphisms in the Nitroreductase Genes ntr4Tv and ntr6Tv. Antimicrobial Agents and Chemotherapy p. 2938–2943 May 2014 Volume 58 Number 5
- J. R. Schwebke et al (2004): Trichomoniasis. Clinical Microbiology Reviews, Oct. 2004, pp. 794–803
- 14. D. Shey Nsagha et al (2015): The Epidemiology of Trichomonas vaginalis, Gardnerella vaginalis and Candida albicans Co- Infections in Women Attending the Yaounde University Teaching Hospital. American Journal of Epidemiology and Infectious Disease, 2015, Vol. 3, No. 2, pp: 28-31

Con mucho gusto le enviaremos bibliografía más detallada, previa solicitud.

13 Explicación de los símbolos

| 13 Explicación de los simbolos | | | | |
|--------------------------------|--|--|--|--|
| \sum | Contenido suficiente para <n> análisis Cantidad de preparaciones</n> | | | |
| P&P MIX | Mezcla de Primer & Probe | | | |
| ENZYME | Mezcla de enzimas | | | |
| CONTROL INT | Control interno | | | |
| CONTROL + | Control positivo | | | |
| CONTROL - | Control negativo | | | |
| INSTRU | Instrucciones de uso | | | |
| | Observar las instrucciones de uso | | | |
| CONT | Contenido, contiene | | | |
| IVD | Productos para diagnóstico in vitro | | | |
| LOT | Número de lote/versión | | | |
| REF | Número de pedido | | | |
| \subseteq | Fecha de caducidad Fecha de vencimiento | | | |
| x°C y°C | Conservación entre x °C y y °C | | | |
| ~ | Fabricante | | | |

GAACSD2102ES 2023-04 4/5



14 Datos del fabricante y de la versión

| 14 Datos del labilicante y de la version | | | |
|---|---|---|-----------------|
| ampliCube STD Panel 2.1 | | Ref. 50322 | |
| Instrucciones de uso válidas a partir de | | GAACSD2102ES 2023-04 | |
| *** | MIKROGEN GmbH Anna-Sigmund-Str. 10 82061 Neuried Alemania Tel. Fax E-Mail Internet | +49 89 54801-0 +49 89 54801-1 mikrogen@mik www.mikrogen. | 100 rogen.de |
| | | | CE |



GAACSD2102ES_2023-04 5/5